

Actividades divulgación Proyecto AGROALNEXT_2022

Lugar	Sala de reuniones del Instituto de Bioingeniería, UMH, Elche
Localidad	Elche
Provincia	Alicante
Fecha	25 de noviembre 2022
Proyecto:	ROOT4UE
Código proyecto	AGROALNEXT_2022/036
Grupo de investigación	<p><i>Instituto de Bioingeniería</i> UNIVERSITAT Miguel Hernández</p>

INFORME DE LA ACTIVIDAD:

El pasado 25 de noviembre se celebró la 1º reunión de coordinación del grupo IP1 e IP2 del proyecto ROOT4UE (25-11-22, Elche).

Organizadores:

- José Manuel Pérez Pérez (UMH)
- José Miguel Blanca Postigo (UPV)

Lugar: Google Meet

En esta primera reunión asistieron 5 personas vinculadas al proyecto ROOT4UE y se discutieron aspectos generales sobre la planificación de tareas dentro del proyecto, sugiriendo distintas líneas de abordaje de la problemática planteada.

FOTOS DE LA ACTIVIDAD:



ACTA DE LA REUNIÓN:



**Acta de la primera reunión de los participantes en el subproyecto:
*Transferencia de caracteres ancestrales de la raíz al cultivo de tomate
para mejorar el uso eficiente de agua y nutrientes*
(AGROALNEXT/2022/036).**

25 de noviembre de 2022

Asistentes: José Manuel Pérez, (JMP, IB-UMH) José Blanca (JB, COMAV-UPV), Ximo Cañizares (XC, COMAV-UPV), María Salud Justamante (MSJ, IB-UMH) y Eduardo Larriba (EL).

La reunión se ha llevado a cabo por Google Meet a las 10.00 h y JMP ha presentado un resumen de los temas tratados durante el "kickoff meeting" del proyecto AGROALNEXT que tuvo lugar en Orihuela el 24 de octubre. Se ha informado de la necesidad de enviar los indicadores del subproyecto a las coordinadoras del WP1 antes del 30 de noviembre.

En la segunda parte, se ha discutido sobre el diseño experimental que se llevará a cabo en el proyecto. En una primera aproximación, se evaluará el fenotipo radicular en un número pequeño de entradas de las cinco subpoblaciones identificadas en los análisis realizados por JB y XC con las colecciones Varitome y Traditom (SLC, SLL México, SLL España, SLL Italia y SLL D.Zamir) y se genotiparán las entradas (K-seq) para las que no se disponga de información detallada de su genoma. MSJ y EL están preparando un listado de genes de tomate cuyos ortólogos participan en la arquitectura radicular en otras especies que se utilizarán para la búsqueda de las regiones candidato en los datos genómicos disponibles de variación en la colección Traditom.

Sin más asuntos de tratar, finaliza la reunión a las 10.30 h.

Y para que conste a los efectos oportunos

Firma del IP1.